

## **Прогнозирование предрасположенности к туберкулезу легких у лиц мужского пола на основании полиморфных вариантов генов ферментов биотрансформации ксенобиотиков**

Гарбузова И.Э.<sup>1</sup>, Михайлова О.В.<sup>1</sup>, Корсакова В.Е.<sup>1</sup>, Абдуллаев М.Н.<sup>1</sup>, Курт А.<sup>1</sup>, Бадр Ш.Ш.<sup>1</sup>, Балобанова Н.П.<sup>1</sup>, Валиев Р.Ш.<sup>2</sup>, Валиев Н.Р.<sup>2</sup>, Маль Г.С.<sup>3</sup>, Рагулина В.А.<sup>3</sup>, Батищев А.В.<sup>1</sup>, Коломиец В.М.<sup>3</sup>, Алыменко М.А.<sup>1,2</sup>.

<sup>1</sup>НГЧОУ ВО «Финансово-промышленный университет «Синергия», г. Москва

<sup>2</sup>ФГБОУ ДПО РМАНПО Минздрава России, г. Казань

<sup>3</sup>ФГБОУ ВО «Курский государственный медицинский университет» Минздрава России, г. Курск

**Цель исследования:** изучить предрасположенность к туберкулезу легких у лиц мужского пола в зависимости от полиморфизма генов ферментов биотрансформации ксенобиотиков *NAT2* (590G>A (*rs1799930*), *CYP2E1* (9896C>G (*rs2070676*), *ABCB1* (3435T>C (*rs1045642*), *GSTM1* (E/D) и *GSTT1* (E/D).

**Материалы и методы:** В исследование было включено 335 больных туберкулезом легких в возрасте от 18 до 65 лет (212 пациентов с впервые выявленным туберкулезом легких и 123 человека с хроническим туберкулезом легких, получающих интенсивную фазу химиотерапии). Статистическая обработка данных проводилась на персональном компьютере с использованием программных пакетов IBM SPSS Statistics 26 и MS Excel 2013.

**Результаты:** установлено, что генотип *DD* гена *GSTM1* у лиц мужского пола в 55,6% случаев ассоциируется с предрасположенностью к туберкулезу легких, тогда как носительство генотипа *EE* гена *GSTM1*- в 44,4% случаев к данному заболеванию (OR=1,37, 95%CI (1,2-1,84), p=0,04).

Генотип *EE* гена *GSTT1* у лиц мужского пола в 89,1% случаев ассоциируется с туберкулезом легких, в то время как генотип *DD* данного гена - в 10,9% (OR=0,6, 95%CI (0,38-0,94), p=0,02).

Генотип *TC* гена *ABCB1* наиболее часто ассоциируется с туберкулезом легких (51,4%), в то время как генотип *CC* – в наименьшем проценте случаев (24,1%) (OR=1,24, 95%CI (0,93-1,67), p=0,02).

### **Выводы:**

1. Установлено, что генотип *DD* гена *GSTT1* ассоциирован с пониженной предрасположенностью к туберкулезу легких у лиц мужского пола (10,9%; OR=0,6 (0,38-0,94)), p=0,02).
2. Показано, что генотип *EE* гена *GSTT1* ассоциирован с повышенной предрасположенностью к данному заболеванию у лиц мужского пола (89,1%; OR=0,6 (0,38-0,94), p=0,02)).

Алыменко Максим Алексеевич, e-mail: [maxim.alymenko@gmail.com](mailto:maxim.alymenko@gmail.com)